**大豆分子设计育种研究集体**

**中国科学院东北地理与农业生态研究所**

**研究集体主要科技贡献：**大豆分子设计育种研究集体围绕创建大豆分子设计育种体系这一核心，以解决大豆主产区逐渐向高纬度地区北移，生产上缺少早熟高产品种的实际生产问题为主要研究内容，研发了大豆分子设计育种的关键核心技术，突破了大豆高产品种选育的瓶颈。近年来，大规模创制和解析了大豆重要农艺性状分子调控元件，为大豆新品种培育提供了优异种质资源和靶标基因；在国际上率先建立了大豆分子设计育种的流程化平台，实现大豆育种的全过程分子选择和工程化实施；通过对重要农艺性状的定向改良，培育系列大豆新品种，连续创造我国单产纪录，促进了我国大豆育种水平的提升。

**研究集体突出贡献者及主要科技贡献：**

**突出贡献者姓名：**冯献忠

**工作单位：**中国科学院东北地理与农业生态研究所

**主要科技贡献：**构建了大豆饱和突变库，提出并组织实施了“绿色超级大豆”计划，建立了主要经济作物分子设计育种平台。

**突出贡献者姓名：**李艳华

**工作单位：**中国科学院东北地理与农业生态研究所

**主要科技贡献：**培育了东生系列大豆新品种，解决了高纬度地区大豆品种单一的问题，成为黑龙江省第二、三、四积温带的主栽品种。

**突出贡献者姓名：**夏正俊

**工作单位：**中国科学院东北地理与农业生态研究所

**主要科技贡献：**首次克隆了大豆生育期关键基因E1、GmFT4等，在光周期反应机理研究取得突破性进展，为分子设计育种提供重要靶标元件。

**研究集体主要完成者及工作单位：**

 **姓名 工作单位**

冯献忠 中国科学院东北地理与农业生态研究所

李艳华 中国科学院东北地理与农业生态研究所

夏正俊 中国科学院东北地理与农业生态研究所

张秋英 中国科学院东北地理与农业生态研究所

杨素欣 中国科学院东北地理与农业生态研究所

冷建田 中国科学院东北地理与农业生态研究所

王国栋 中国科学院东北地理与农业生态研究所

于慧 中国科学院东北地理与农业生态研究所

张耀华 中国科学院东北地理与农业生态研究所

翟红 中国科学院东北地理与农业生态研究所

吴红艳 中国科学院东北地理与农业生态研究所

周克琴 中国科学院东北地理与农业生态研究所

徐坤 中国科学院东北地理与农业生态研究所

刘长楷 中国科学院东北地理与农业生态研究所